

# Übungen zur Vorlesung „Stochastik für Studierende der Informatik“

<http://www.stochastik.uni-freiburg.de/lehre/SS-2016/VorStochInfoSS2016/InfoVorStochInfoSS2016>

Sommersemester 2016, Blatt 6

Abgabetermin: 06.06.2016, zu Beginn der Vorlesung

(Bitte geben Sie auf jedem Lösungsblatt Ihren Namen und Ihre Übungsgruppe an)

Bitte nur maximal zu zweit abgeben!

**Aufgabe 21 (Mittlere absolute Abweichung)** (3 Punkte)

Wir definieren die mittlere absolute Abweichung einer reellwertigen Zufallsvariable  $X$  mit existierendem Erwartungswert  $\mathbf{E}[X] = \mu_X$  durch

$$\mathbf{M}[X] := \mathbf{E}[|X - \mu_X|].$$

- (a) Berechnen Sie für  $Y \sim U([0, 1])$  den Wert  $\mathbf{M}[Y]$ .
- (b) Es sei  $p = 1/2$ ,  $n \in \mathbb{N}$  gerade und  $Z \sim \text{Bin}(n, p)$ . Berechnen und vereinfachen Sie soweit wie möglich  $\mathbf{M}[Z]$ .

**Aufgabe 22 (Varianzanalyse von FINDMAX)** (5 Punkte)

Gegeben sei der Algorithmus FINDMAX aus Aufgabe 8 für den Vektor  $(1, \dots, n)$ . Berechnen Sie die Varianz der Anzahl an Überschreibungen  $\max \leftarrow i$  bei zufälligem Input  $\underline{X} = (\sigma(1), \dots, \sigma(n))$  für  $\sigma \in \mathcal{S}_n$ . Betrachten Sie dafür folgende Zufallsvariable für  $2 \leq i \leq n$ :

$$X_1 = 0, X_i(\sigma) := \begin{cases} 1, & \text{falls } \sigma(i) > \max(\sigma(1), \dots, \sigma(i-1)) \\ 0, & \text{sonst} \end{cases}.$$

- (a) Zeigen Sie, dass für  $2 \leq k \leq n$  und  $x_i \in \{0, 1\}$  für alle  $1 \leq i \leq n$  folgendes gilt:

$$\left| \left\{ \sigma : \bigcap_{i=1}^{k-1} \{X_i(\sigma) = x_i\} \right\} \right| = k \cdot \left| \left\{ \sigma : \bigcap_{i=1}^{k-1} \{X_i = x_i\} \cap \{X_k = 1\} \right\} \right|.$$

*Hinweis: Verwenden Sie eine Permutation, welche eine Permutation der rechten Menge sortiert und überlegen Sie, warum nun eines der  $k$  Elemente gestrichen werden kann, um eine Permutation zu erzeugen, die die linke Seite erfüllt.*

- (b) Zeigen Sie, dass die Zufallsvariablen  $X_1, \dots, X_n$  stochastisch unabhängig sind.  
*Hinweis: Sie dürfen ohne Beweis verwenden, dass für  $1 \leq k \leq n$*

$$\begin{aligned} & \mathbf{P}(X_1 = x_1, \dots, X_{k-1} = x_{k-1}, X_k = 0) \\ &= \mathbf{P}(X_1 = x_1, \dots, X_{k-1} = x_{k-1}) - \mathbf{P}(X_1 = x_1, \dots, X_{k-1} = x_{k-1}, X_k = 1) \end{aligned}$$

*gilt.*

- (c) Berechnen Sie die Varianz für die Anzahl an Überschreibungen.

**Aufgabe 23 (DNA-Sequenzanalyse)**

(5 Punkte)

Wir betrachten eine DNA-Sequenz bestehend aus den vier Aminosäuren Adenin (A), Cytosin (C), Guanin (G) und Thymin (T). Wir definieren  $\mathcal{A} := \{A, C, G, T\}$ . Einer zufälligen DNA-Sequenz  $D_n = (D_1, \dots, D_n)$  der Länge  $n \in \mathbb{N}$  liegen die unabhängigen,  $\mathcal{A}$ -wertigen Zufallsvariablen  $D_1, \dots, D_n$  zugrunde, wobei  $\mathbf{P}(D_i = \square) = p_\square$  mit  $\square \in \mathcal{A}$ . Wir wollen nun wissen wie oft man erwarten kann, dass eine Teilsequenz  $d \in \mathcal{A}^m$  der DNA mit Länge  $m < n$  in der Gesamtsequenz vorkommt. Sei dafür

$$S(d) := \sum_{i=0}^{n-m} Y_i, \quad \text{wobei } Y_i := \mathbf{1}_{\{D_{i+1}=d_1, \dots, D_{i+m}=d_m\}}$$

die Anzahl an Teilsequenzwiederholungen in der Gesamtsequenz. Zeigen Sie:

- (a)  $\mathbf{E}[S(d)] = (n - m + 1)q(d)$ , wobei  $q(d) := P(D_m = d)$  ist.
- (b)  $\mathbf{Var}[S(d)] \leq (2m - 1)\mathbf{E}[S(d)]$ .

**Aufgabe 24 (Unkorreliert vs. unabhängig)**

(3 Punkte)

Es sei  $X \sim \mathcal{N}(0, 1)$ . Zeigen Sie, dass  $X$  und  $Y := X^2$  unkorreliert, aber nicht unabhängig sind. (Insbesondere gilt also die Umkehrung aus Proposition 3.18 nicht!)